

## ارائه یک روش ترکیبی از الگوریتم ژنتیک برای استفاده در خوشه بندی داده ها

میثم رهنمای فلاح<sup>۱</sup>، مرضیه فریدی ماسوله<sup>۲\*</sup>، محمدرضا عسگری پور<sup>۳</sup>

<sup>۱،۲،۳</sup> دانشگاه آزاد اسلامی، واحد الکترونیکی، گروه کامپیوتر، تهران، ایران  
\* نویسنده مسئول مکاتبات

### چکیده

داده های بزرگ یا عظیم داده ترجمه اصطلاح Big Data می باشد که معمولاً به مجموعه از داده ها اطلاق می شود که اندازه آنها فراتر از حدی است که با نرم افزارهای معمول بتوان آنها را در یک زمان معقول اخذ، دقیق سازی، مدیریت و پردازش کرد. مفهوم «اندازه» در داده های بزرگ بطور مستمر در حال تغییر است و به مرور بزرگتر می شود. از این رو با رشد روز افزون داده ها و نیاز به بهره برداری و تحلیل از این داده ها، بکارگیری زیرساخت های Big Data از اهمیت ویژه ای برخوردار شده است. ما به ارائه خلاصه ای از بررسی کلی بر روی مسایل داده های حجیم می پردازیم که شامل فرصت ها و چالش های داده های حجیم، تکنیک ها و فناوری های فعلی می باشند. برای بهینه سازی عملکرد و تحلیل داده های بزرگ الگوریتم های تکاملی و داده کاوی مطرح می شوند. الگوریتم های تکاملی (EA) معروف است که کشف کننده های بهتر در فضای جستجو در مقایسه با تکنیک های سنتی هستند؛ که روش های قطعی را در برمی گیرند و از مکانیزم ها و عملیات ابتدایی برای حل مسئله استفاده می کنند و طی یک سری از تکرارها به راه حل مناسب برای مسئله می رسند. ما در اینجا از ترکیب الگوریتم k- میانگین و الگوریتم ژنتیک برای رسیدن به نتیجه مطلوب استفاده کردیم که الگوریتم ژنتیک یکی از مشهورترین و متداول ترین الگوریتم ها در بین الگوریتم های تکاملی است. این الگوریتم یک روش سراسری کمینه سازی است که برای حل مسائل بهینه سازی کاربردهای بسیار دارد.

**واژه های کلیدی:** داده های بزرگ، الگوریتم های تکاملی، الگوریتم ژنتیک، داده کاوی، k- میانگین.

## ۱. مقدمه

داده های بزرگ یا عظیم داده ترجمه اصطلاح Big Data می باشد که معمولاً به مجموعه از داده ها اطلاق می شود که اندازه آنها فراتر از حدی است که با نرم افزارهای معمول بتوان آنها را در یک زمان معقول اخذ، دقیق سازی، مدیریت و پردازش کرد. مفهوم «اندازه» در داده های بزرگ بطور مستمر در حال تغییر است و به مرور بزرگتر می شود. داده های بزرگ (Big Data) مجموعه از تکنیک ها و تاکتیک هایی است که نیازمند شکل جدیدی از یکپارچگی هستند تا بتوانند ارزش های بزرگی را که در مجموعه های بزرگ، وسیع، پیچیده و متنوع داده پنهان شده اند، آشکار سازند. از این رو با رشد روز افزون داده ها و نیاز به بهره برداری و تحلیل از این داده ها، بکارگیری زیرساخت های Big Data از اهمیت ویژه ای برخوردار شده است.

عبارت Big Data مدت ها است که برای اشاره به حجم های عظیمی از داده ها که توسط سازمان های بزرگی مانند گوگل یا ناسا ذخیره و تحلیل می شوند مورد استفاده قرار می گیرد؛ اما به تازگی، این عبارت بیشتر برای اشاره به مجموعه های داده ای بزرگی استفاده می شود که به قدری بزرگ و حجیم هستند که با ابزارهای مدیریتی و پایگاه های داده سنتی و معمولی قابل مدیریت نیستند. مشکلات اصلی در کار با این نوع داده ها مربوط به برداشت و جمع آوری، ذخیره سازی، جست و جوی، اشتراک گذاری، تحلیل و نمایش آنها است. این مبحث، به این دلیل هر روز جذابیت و مقبولیت بیشتری پیدا می کند که با استفاده از تحلیل حجم های بیشتری از داده ها، می توان تحلیل های بهتر و پیشرفته تری را برای مقاصد مختلف، از جمله مقاصد تجاری، پزشکی و امنیتی، انجام داد و نتایج مناسب تری را دریافت کرد. بیشتر تحلیل های مورد نیاز در پردازش داده های عظیم، توسط دانشمندان در علمی مانند هواشناسی، ژنتیک، شبیه سازی های پیچیده فیزیک، تحقیقات زیست شناسی و محیطی، جست و جوی اینترنت، تحلیل های اقتصادی و مالی و تجاری مورد استفاده قرار می گیرد. حجم داده های ذخیره شده در مجموعه های داده ای Big Data، عموماً به خاطر تولید و جمع آوری داده ها از مجموعه بزرگی از تجهیزات و ابزارهای مختلف مانند گوشی های موبایل، حسگرهای محیطی، لاگ نرم افزارهای مختلف، دوربین ها، میکروفون ها، دستگاه های تشخیص RFID، شبکه های حسگر بی سیم و غیره با سرعت خیره کننده ای در حال افزایش است. در اینجا ضمن بررسی مفاهیم پایه ای در داده های حجیم، به بررسی راه حل های موجود برای مدیریت و بهره برداری از این نوع داده ها خواهیم پرداخت.

برای ایجاد یک دید مناسب در خصوص داده های حجیم و اهمیت آن، جامعه ای را تصور کنید که در آن جمعیت بطور نمایی در حال افزایش است، اما خدمات و زیرساخت های عمومی آن نتواند پاسخگوی رشد جمعیت باشد و از عهده مدیریت آن برآید. چنین شرایطی در حوزه داده در حال وقوع است؛ بنابراین نیازمند توسعه زیرساخت های فنی برای مدیریت داده و رشد آن در بخش هایی نظیر جمع آوری، ذخیره سازی، جستجو، به اشتراک گذاری و تحلیل می باشیم. دستیابی به این توانمندی معادل است با شرایطی که مثلاً بتوانیم «هنگامی که با اطلاعات بیشتری در حوزه سلامت مواجه باشیم، با بازدهی بیشتری سلامت را ارتقا دهیم»، «در شرایطی که خطرات امنیتی افزایش پیدا می کند، سطح امنیت بیشتری را فراهم کنیم»، «وقتی که با رویدادهای بیشتری از نظر آب و هوایی مواجه باشیم، توان پیش بینی دقیقتر و بهتری بدست آوریم»، «در دنیایی با خودروهای بیشتر، آمار تصادفات و حوادث را کاهش دهیم»، «تعداد تراکنش های بانکی، بیمه و مالی افزایش پیدا کند، ولی تقلب کمتری را شاهد باشیم»، «با منابع طبیعی کمتر، به انرژی بیشتر و ارزانتری دسترسی داشته باشیم» و بسیاری موارد دیگر از این قبیل که اهمیت پنهان داده های حجیم را نشان می دهد.

داده های حجیم اصطلاحی است که به مجموعه داده هایی اطلاق می شود که مدیریت، کنترل و پردازش آنها فراتر از توانایی ابزارهای نرم افزاری در یک زمان قابل تحمل و مورد انتظار است و چالش های بسیاری را منجر می شوند مانند دشواری ها و پیچیدگی هایی در گرفتن داده ها، ذخیره داده ها، تجزیه و تحلیل داده ها و غیره. نمونه هایی از بزرگ داده گزارش های وبی، سامانه های بازشناسی با امواج رادیویی، شبکه های حسگر، شبکه های اجتماعی، متون و اسناد اینترنتی، جستجوهای اینترنتی، نجوم، مدارک پزشکی، آرشیو عکس، آرشیو ویدیو، پژوهش های زمین شناسی و تجارت در مقیاس بزرگ هستند (چن و همکاران<sup>۱</sup>، ۲۰۱۴).

<sup>1</sup> Chen et al.

داده‌های عظیم می‌توانند بر اساس مشخصات زیر تعریف شوند:

حجم: مقدار داده‌های تولید شده در این زمینه بسیار مهم است. اندازه داده‌ها ارزش و پتانسیل داده‌های مورد توجه به آن را تعیین می‌کند تا جایی که می‌توان تصمیم گرفت که داده عظیم محسوب می‌شود یا خیر.

تنوع: جنبه بعدی در داده‌های عظیم تنوع آن است. این بدان معنی است که دسته بندی داده‌های عظیم به ضرورت نیاز شناسایی شده توسط تحلیلگران داده دارد. این به افراد کمک می‌کند تا داده‌ها و ارتباطاتشان را دقیق‌تر تحلیل کنند تا از مزایا و رعایت اهمیت داده‌های عظیم به طور موثر استفاده کنند.

نرخ تولید: اصطلاح 'نرخ تولید' در این موضوع به سرعت تولید داده اشاره دارد و یا چگونگی سرعت تولید و پردازش داده‌ها برای پاسخگویی به خواسته و چالش‌های پیش رو در مسیر رشد و توسعه است.

ما به ارائه خلاصه‌ای از بررسی کلی بر روی مسایل داده‌های حجیم می‌پردازیم که شامل فرصت‌ها و چالش‌های داده‌های حجیم، تکنیک‌ها و فناوری‌های فعلی می‌باشند. برای بهینه‌سازی عملکرد و تحلیل داده‌های بزرگ الگوریتم‌های تکاملی مطرح می‌شوند. الگوریتم‌های تکاملی (EA) معروف است که کشف‌کننده‌های بهتر در فضای جستجو در مقایسه با تکنیک‌های سنتی هستند. (باتاچاریا و همکاران<sup>۱</sup>، ۲۰۱۶) که روش‌های قطعی را در برمی‌گیرند و از مکانیزم‌ها و عملیات ابتدایی برای حل مسئله استفاده می‌کنند و طی یک سری از تکرارها به راه حل مناسب برای مسئله می‌رسند. ما در اینجا الگوریتم ژنتیک را مطرح می‌کنیم که یکی از مشهورترین و متداول‌ترین الگوریتم‌ها در بین الگوریتم‌های تکاملی است. این الگوریتم یک روش سراسری کمینه‌سازی است که برای حل مسائل بهینه‌سازی کاربردهای بسیار دارد. (وایتلی<sup>۲</sup>، ۱۹۹۴)

## ۲. اهداف پژوهش

در این پژوهش قصد داریم پارامترهای الگوریتم ژنتیک را برای استفاده در کاربردهای داده‌های بزرگ با اتومات‌های یادگیر تنظیم کنیم و همچنین تکنیکی برای حل مشکل در ذخیره‌سازی اطلاعات در داده‌های بزرگ ارائه نمائیم.

## ۳. فرضیه‌های تحقیق

۱. می‌توان بر اساس ماشین‌های یادگیر پارامترهای الگوریتم ژنتیک را تنظیم کرد.
۲. می‌توان با استفاده از تکنیک‌هایی مشکلات داده‌های بزرگ را حل نمود.
۳. استفاده از الگوریتم بهینه‌ژنتیک در قیاس با دیگر الگوریتم‌های بهینه‌سازی در این حوزه بهتر جواب می‌دهد.

## ۴. مبانی نظری پژوهش

### ۴.۱. داده‌های حجیم

دانشمندان و محققان بر این باورند که داده‌های حجیم امروزه به اصطلاحی فراگیر و مبحثی مهم تبدیل شده در ادبیات فناوری اطلاعات است که مورد توجه دانشگاه‌ها، دولت‌ها و صنایع قرار گرفته شده است. همان‌طور که سازمان‌ها بزرگ می‌شوند، اطلاعات مرتبط با آنها نیز به صورت تصاعدی رشد می‌نماید و به تبع پیچیدگی‌های مرتبط با داده‌ها افزایش می‌یابد. سرعت داده‌های جدید در حال تولید سرسام‌آور است. بسیاری از سازمان‌های بزرگ در برنامه‌های کاربردی متفاوتشان داده‌های زیادی در فرمت‌های مختلفی را دارند. (کندی<sup>۳</sup>، ۱۹۹۵) به همان میزان که داده‌ها گسترش می‌یابند، دسته بندی آنها با یک الگوریتم یا منطق مشخص بسیار دشوار می‌گردد. سازمان‌های بزرگ در واقع با این چالش مواجه هستند که تمامی اطلاعات را در یک پلتفرم نگهداری نمایند و یک دیدگاه ثابت به آن‌ها داشته باشند. این چالش منحصر به فرد برای درک تمامی داده‌هایی

<sup>1</sup> Bhattacharya et al.

<sup>2</sup> Whitley

<sup>3</sup> Kennedy

که از منابع متفاوت به دست می آیند و استخراج اطلاعات علمی مفید از آن ها، انقلاب داده‌های حجیم جهانی نامیده می شود. از سویی انجام کسب و کار برخلاف گذشته نیازمند تصمیم‌گیری هوشمند است. (آیبینو و همکاران<sup>۱</sup>، ۲۰۱۶)

#### ۴.۲ خصوصیات داده های حجیم

موسسه گارتنر (گروه متا) در سال ۲۰۰۱، سه بُعد از چالش ها و فرصت های پیش رو در حوزه رشد داده‌ها را مطرح کرد. این ویژگی ها به عنوان ویژگی های اصلی و معرف داده‌های بزرگ مطرح شدند. در واقع این سه واژه هستند که داده‌های حجیم را تعریف می کنند که در اصطلاح عامیانه به آن ها 3V گفته می شود:



شکل ۱: حجم در مقابل تنوع

سرعت و شتاب (Velocity) / افزایش سرعت تولید داده‌های ورودی و خروجی: اشاره به سرعت انتقال داده‌ها دارد. سرعت با افزایش تعداد منابع افزایش یافته است. داده‌ها از طریق برنامه های کاربردی و سنسورهای بسیار زیادی که در محیط وجود دارند با سرعت بسیار زیاد و به صورت بلادرنگ تولید می شوند که اغلب باید در لحظه پردازش و ذخیره شوند. رشد داده‌ها و انفجار رسانه‌های اجتماعی، نگاه ما را به داده‌ها تغییر داده است. امروزه مردم در شبکه های اجتماعی آخرین رخدادها را برای استفاده دیگران به روز رسانی می کنند. (چانگ و همکاران<sup>۲</sup>، ۲۰۱۶)



شکل ۲: خصوصیات داده های حجیم

#### ۴.۳ طبقه بندی داده های حجیم

داده‌های بزرگ برای درک بهتر ویژگی هایشان به دسته‌های مختلف طبقه بندی می‌شوند. شکل ۳ دسته بندی های متعدد از داده‌های بزرگ را نشان می دهد.

<sup>1</sup> Aibinu et al.

<sup>2</sup> Chang et al.



شکل ۳: طبقه بندی داده های حجیم

#### ۴.۴ چالش ها در داده های بزرگ

خدمات داده های حجیم، چه در بستر سخت افزاری و چه نرم افزاری، دارای محدودیت هایی است. ما در اینجا برخی از این محدودیت های مهم که به طور مستقیم احساس می شود را لیست می کنیم: دستگاه های ذخیره سازی به یک محدودیت بزرگ تبدیل شده اند. هارد دیسک با تکنولوژی دسترسی تصادفی برای ذخیره سازی داده ها دارای محدودیت به ویژه برای انتقال ورودی/خروجی سریع هستند که برای پردازش داده های بزرگ نیاز است. از سایر محدودیت های ذخیره سازی، می توان محدودیت های طراحی الگوریتم از نظر تعریف ساختمان داده مناسب که جوابگوی دسترسی سریع برای مدیریت داده هاست نام برد. نیاز به طراحی بهینه و پیاده سازی نمایه سازی برای دسترسی سریع به داده ها وجود دارد. ایده جدید ذخیره سازی کلید-مقدار و آرایش سیستم فایل پایگاه داده چالش هایی برای مدیریت داده های بزرگ هستند. (دینگ<sup>۱</sup>، ۲۰۱۶)

#### ۴.۵ تجزیه تحلیل در داده های بزرگ

تجزیه و تحلیل در داده های بزرگ شامل شش حوزه می باشد که عبارتند از:

- ارتباط: حسگرها و شبکه ها
- ابر: محاسبات و داده ها برخط
- سایبر: مدل و حافظه
- محتوا و زمینه: معانی و ارتباطات
- جوامع: اشتراک و همکاری
- سفارشی سازی: شخصی سازی و ارزش تکنولوژی های داده های بزرگ

#### ۴.۶ داده کاوی

امروزه دیگر فقدان اطلاعات یک مشکل نیست، بلکه عدم توانایی در استخراج اطلاعات مفید از داده ها یک مسئله مهم است. در دو دهه قبل توانایی های فنی بشر برای تولید و جمع آوری داده ها به سرعت افزایش یافته است. بطور کلی استفاده همگانی از وب و اینترنت به عنوان یک سیستم اطلاع رسانی جهانی ما را مواجه با حجم زیادی از داده و اطلاعات می کند. این رشد انفجاری در داده های ذخیره شده، نیاز مبرم وجود تکنولوژی های جدید و ابزارهای خودکاری را ایجاد کرده که به صورت

<sup>1</sup> Ding

هوشمند به انسان یاری رسانند تا این حجم زیاد داده را به اطلاعات و دانش تبدیل کند؛ داده کاوی به عنوان یک راه حل برای این مسائل مطرح می باشد. (لیل و همکاران<sup>۱</sup>، ۲۰۱۷)

#### ۴.۷ دسته بندی

دسته بندی از رایج ترین متدهای داده کاوی است که با عنوان تکنیک های یادگیری نظارتی<sup>۲</sup> شناخته می شود. دسته بندی مقادیر بعضی متغیرها را محاسبه می کند و بر مبنای نتایج حاصله، طبقه بندی می کند. الگوریتم های مورد استفاده در کلاس بندی عبارتند از: درخت تصمیم، شبکه عصبی و ... .

#### ۴.۸ خوشه بندی

خوشه بندی از متدهای یادگیری بدون نظارت<sup>۳</sup> است که مجموعه ای از الگوها را در گروه ها (یا خوشه ها) بخش بندی می کند. تحلیل های خوشه ای به گروه بندی مجموعه اشیاء داده ای به خوشه ها برمی گردد. به طور خاص، هیچ کلاس از پیش تعریف شده ای اختصاص داده نشده است. (جین و همکاران<sup>۴</sup>، ۲۰۱۵)

#### ۴.۹ کاربردهای خوشه بندی

از آنجا که خوشه بندی یک روش یادگیری بدون نظارت محسوب می گردد، در موارد بسیاری می تواند کاربرد داشته باشد. در بازاریابی (Marketing): دسته بندی مشتری ها به دسته هایی بر حسب رفتارها و نیازهای آنها از طریق مجموعه زیادی از ویژگی ها و آخرین خریدهای آنها.

زیست شناسی (Biology): دسته بندی حیوانات و گیاهان از روی ویژگی های آنها

کتابداری: دسته بندی کتاب ها

نقشه برداری شهری (Planning-City): دسته بندی خانه ها بر اساس نوع و موقعیت جغرافیایی آنها.

#### ۴.۱۰ خوشه بندی داده های حجیم

خوشه بندی به عنوان یکی از روش های داده کاوی می تواند به تشخیص الگوهای پنهان در داده ها و تحلیل حجم عظیم داده های شبکه پردازد. کاربرد خوشه بندی داده ها تقریباً به وسعت همه حوزه های زندگی انسان است. خوشه بندی داده یک تکنیک شناخته شده در زمینه های مختلف از علوم کامپیوتر و حوزه مرتبط است. می توان گفت هرکجا داده ای ذخیره و استفاده می شود، پتانسیل فراوانی برای ورود داده کاوی و خوشه بندی داده در آن مشاهده می شود. (مائولیک<sup>۵</sup>، ۲۰۰۰) بنابراین، روش های خوشه بندی داده با طیف وسیعی از انواع داده و دانش نهفته در داده ها روبرو است. داده های بیشتر به تحلیل های دقیق تر می انجامد؛ تحلیل های دقیق تر نیز منجر به تصمیم گیری های مطمئن تر شده و در پایان تصمیمات بهتر، می تواند به معنای کارایی بیشتر عملیات و کاهش هزینه ها و ریسک ها باشد. خوشه بندی ابزاری قوی جهت پردازش داده های تولید شده توسط برنامه های مختلف می باشد. این تکنیک به عنوان یکی از روش های بدون نظارت تشخیص الگوهای پنهان شناخته می شود. (برتینو و همکاران، ۲۰۱۱)

<sup>1</sup> Leal et al

<sup>2</sup> Supervised

<sup>3</sup> Unsupervised

<sup>4</sup> Jin

<sup>5</sup> Maulik

#### ۴.۱۱ روش های خوشه‌بندی داده های حجیم

به طور کلی، تکنیک های خوشه‌بندی داده‌های بزرگ را می‌توان به دو دسته عمده طبقه بندی کرد: تکنیک های خوشه‌بندی تک ماشین و تکنیک های خوشه‌بندی چند ماشینه. اخیراً تکنیک های خوشه‌بندی چند ماشینه به خاطر انعطاف پذیر بودن در مقیاس پذیری و ارائه زمان پاسخ سریع به کاربران، توجه بیشتری را بخود جذب کرده اند. (آنچالیا و همکاران<sup>۱</sup>، ۲۰۱۳)

#### ۴.۱۲ الگوریتم ژنتیک

در علوم کامپیوتر و ریاضیات الگوریتم جستجو الگوریتمی است که یک مساله را به عنوان ورودی می‌گیرد و پس از ارزیابی راه حل های ممکن یک راه حل برای آن مساله بر می‌گرداند. هنگامی که یک مساله را حل می‌کنیم بدنبال راه حل بهینه و یا به عبارتی بهترین پاسخ از بین پاسخ های ممکن هستیم. (آرورا<sup>۲</sup>، ۲۰۱۴) در الگوریتم ژنتیک با الهام از طبیعت، هدف حل یک مساله جستجو و رسیدن به پاسخ بهینه است. الگوریتم ژنتیک به دلیل تقلید نمودن از طبیعت دارای چند اختلاف اساسی با روش‌های جستجوی مرسوم می‌باشد که در زیر به تعدادی از آنها اشاره می‌کنیم. (برمن<sup>۳</sup>، ۲۰۱۳)

- الگوریتم ژنتیک با رشته‌های بیتی کار می‌کند که هر کدام از این رشته‌ها کل مجموعه متغیرها را نشان می‌دهد حال آنکه بیشتر روش‌ها به طور مستقل با متغیرهای ویژه برخورد می‌کنند.
- الگوریتم ژنتیک برای راهنمایی جهت جستجو، انتخاب تصادفی انجام می‌دهد که به این ترتیب به اطلاعات مشتق نیاز ندارد.

#### ۴.۱۳ عملگرهای یک الگوریتم ژنتیک

به طور خلاصه الگوریتم ژنتیک از عملگرهای زیر تشکیل شده است:

##### • کدگذاری

این مرحله شاید مشکل‌ترین مرحله حل مساله به روش الگوریتم باشد. الگوریتم ژنتیک به جای اینکه بر روی پارامترها یا متغیرهای مساله کار کند، با شکل کد شده آنها سروکار دارد. یکی از روش‌های کد کردن، کد کردن دودویی می‌باشد که در آن هدف تبدیل جواب مساله به رشته‌ای از اعداد باینری (در مبنای ۲) است. (بهیه و همکاران<sup>۴</sup>)

##### • ارزیابی

تابع برازندگی را از اعمال تبدیل مناسب بر روی تابع هدف یعنی تابعی که قرار است بهینه شود به دست می‌آورند. این تابع هر رشته را با یک مقدار عددی ارزیابی می‌کند که کیفیت آن را مشخص می‌نماید. هر چه کیفیت رشته جواب بالاتر باشد مقدار برازندگی جواب بیشتر است و احتمال مشارکت برای تولید نسل بعدی نیز افزایش خواهد یافت. (بوزا و همکاران<sup>۵</sup>، ۲۰۱۴)

##### • ترکیب

مهمترین عملگر در الگوریتم ژنتیک، عملگر ترکیب است. ترکیب فرآیندی است که در آن نسل قدیمی کروموزوم‌ها با یکدیگر مخلوط و ترکیب می‌شوند تا نسل تازه‌ای از کروموزوم‌ها بوجود بیاید. جفت‌هایی که در قسمت انتخاب به عنوان والد در نظر گرفته شدند در این قسمت ژن‌هایشان را با هم مبادله می‌کنند و اعضای جدید بوجود می‌آورند. ترکیب در الگوریتم ژنتیک باعث از بین رفتن پراکندگی یا تنوع ژنتیکی جمعیت می‌شود زیرا اجازه می‌دهد ژن‌های خوب یکدیگر را بیابند. (چانگ و همکاران، ۲۰۰۸)

<sup>1</sup> Anchalía et al.

<sup>2</sup> Arora

<sup>3</sup> Berman

<sup>4</sup> Bhih et al.

<sup>5</sup> Buza et al.

### • جهش

جهش نیز عملگر دیگری هست که جواب‌های ممکن دیگری را متولد می‌کند. در الگوریتم ژنتیک بعد از اینکه یک عضو در جمعیت جدید بوجود آمد هر ژن آن با احتمال جهش، جهش می‌یابد. در جهش ممکن است ژنی از مجموعه ژن‌های جمعیت حذف شود یا ژنی که تا به حال در جمعیت وجود نداشته است به آن اضافه شود. جهش یک ژن به معنای تغییر آن ژن است و وابسته به نوع کدگذاری روش‌های متفاوت جهش استفاده می‌شود. (چن و همکاران<sup>۱</sup>، ۲۰۱۲)

### • رمزگشایی

رمزگشایی، عکس عمل رمزگذاری است. در این مرحله بعد از اینکه الگوریتم بهترین جواب را برای مسأله ارائه کرد لازم است عکس عمل رمزگذاری روی جواب‌ها یا همان عمل رمزگشایی اعمال شود تا بتوانیم نسخه واقعی جواب را به وضوح در دست داشته باشیم. (سوکس و همکاران<sup>۲</sup>، ۱۹۹۷)

### ۵. روش تحقیق

در روش خوشه بندی k-میانگین، تعداد خوشه ها باید توسط کاربر مشخص شود. تشخیص صحیح تعداد خوشه های یک مجموعه داده اغلب برای کاربر کار دشواری است. به همین دلیل روش های خوشه بندی که به طور خودکار قادر به تعیین تعداد خوشه های مجموعه داده باشند، مورد توجه قرار می گیرند. به منظور غلبه بر این نقاط ضعف، ایده استفاده از الگوریتم های بهینه سازی برای تعیین مراکز اولیه ی خوشه ها در الگوریتم k-میانگین مطرح شد. یکی از الگوریتم های بهینه سازی کارا در این زمینه، الگوریتم ژنتیک است که به میزان قابل ملاحظه ای نتایج خوشه بندی را بهبود می بخشد اما به دلیل زمان مصرفی بالای الگوریتم ژنتیک، استفاده از آن برای یافتن مراکز اولیه خوشه ها در k-میانگین باعث بالا رفتن زمان این الگوریتم به ویژه برای مجموعه داده های بزرگ می شود. همچنین، از آنجا که اغلب مجموعه های داده ای که روش های خوشه بندی به منظور تحلیل آنها ایجاد شده‌اند، شامل داده های مختلط (داده های شامل ویژگی های اسمی و عددی) می باشند، روش خوشه‌بندی که قابلیت کار بر روی داده های مختلط را دارا باشد بسیار مورد توجه خواهد بود. در این بخش روشی برای خوشه بندی مجموعه داده های مختلط بزرگ با استفاده از k- میانگین و الگوریتم ژنتیک ارائه شده است. الگوریتم ژنتیک می تواند تعداد و مراکز اولیه خوشه ها را به طور خودکار پیدا کند. استفاده از الگوریتم ژنتیک برای یافتن مراکز خوشه های اولیه در k- میانگین تا حد زیادی باعث بهبود نتایج خوشه‌بندی می شود. اما با توجه به زمان مصرفی بالای الگوریتم ژنتیک، خوشه‌بندی مجموعه داده‌های بزرگ به این روش امکان پذیر نمی باشد. برای غلبه بر این مشکل و با توجه به ایده مطرح شده در اینجا ابتدا زیر مجموعه ای از مجموعه داده ی مورد نظر را انتخاب می‌کنیم. با اجرای الگوریتم ژنتیک روی این زیر مجموعه، بهترین مراکز اولیه ی خوشه ها را پیدا کرده و با ارسال آنها به k- میانگین و اجرای آن روی کل داده ها به خوشه‌بندی مجموعه ی داده مورد نظر می پردازیم. اجرای الگوریتم ژنتیک روی زیرمجموعه ای از داده ها، به جای کل آن ها، تا حد زیادی زمان مصرفی را کاهش می دهد. در ادامه به توضیح کامل مراحل کار می پردازیم.

### ۶. یافته های پژوهش

#### ۶.۱ مجموعه داده Iris

این مجموعه در واقع مجموعه‌ای از داده‌ها می‌باشد که شامل سه نمونه گل زنبق است که توسط فیشر<sup>۳</sup> در سال ۱۹۳۶ برای نشان دادن تکنیک‌های خطی تفکیک‌پذیر معرفی گردید. از این رو به نام مجموعه داده گل زنبق فیشر نیز خوانده می‌شود. از

<sup>۱</sup> Chen et al.

<sup>۲</sup> Cox et al.

<sup>۳</sup>-Sir.Ronald Aylmer Fisher



طرف دیگر، به دلیل این که ادگار اندرسون<sup>۱</sup> نیز این مجموعه را به دلیل کیفیت تنوع جغرافیایی در شبه جزیره گاسپه، گردآوری کرده است، به مجموعه داده زنبق اندرسون نیز مشهور می باشد.

### جدول ۱: مراکز خوشه به دست آمده با اجرای الگوریتم Kmeans-GA روی مجموعه داده Iris

مراکز خوشه مجموعه داده Iris		
مرکز خوشه اول	مرکز خوشه دوم	مرکز خوشه سوم
۵.۸۸۹۰	۶.۷۷۴۹	۵.۰۰۳۶
۲.۷۶۱۲	۳.۰۵۲۴	۳.۴۰۳۰
۴.۳۶۴۰	۵.۶۴۶۶	۱.۴۸۵۰
۱.۳۹۷۳	۲.۰۵۳۵	۰.۲۵۱۵

بنا به بهترین مرکز خوشه به دست آمده روی مجموعه داده های Irish، مقدار حداقل تابع هزینه الگوریتم Kmeans-GA، ۶۰.۵۷۵۹۵۹ گردیده است (جدول ۲). ادعا بر برتری روش پیشنهادی با توجه به نتیجه حاصله امکان پذیر می باشد.

### ۶.۲ مجموعه داده Wine

این مجموعه که از آزمایشگاه MCI گرفته شده؛ از فعل و انفعالات شیمیایی شراب به دست آمده است. این مجموعه داده، نتیجه جمع آوری ۳ نمونه شراب در مکان های مختلف ایتالیا می باشد. در این مجموعه پارامترها ( $k=3$ ,  $d=13$ ,  $N=178$ ) می باشند. از این ۱۷۸ مورد، ۱۰۶ مورد مربوط به آموزش، ۳۶ مورد برای اعتبارسنجی و ۳۶ مورد باقی مانده جهت تست انتخاب گردیده اند. لازم به ذکر است که تمام ۱۳ ویژگی، پیوسته می باشند و هیچ کدام مقدار تهی ندارند. هم چنین، توزیع داده ها در هر خوشه، ۵۹، ۷۱، ۴۸ می باشد. ۱۳ ویژگی این مجموعه داده بدین شرح می باشد: الکل، اسید مالیک، خاکستر، خاصیت قلیایی خاکستر، منیزیم، اسید فنیک، فلاونوئید، فنول غیرفلاونوئید، پرانوسویانینز، شدت رنگ، شکل، OD280/OD315 از شراب رقیق و پرولین.

با توجه به جدول ۲ برای مجموعه داده Wine، جواب بهینه الگوریتم پیشنهادی ۱۷۹۶۰۸۲.۷۵۹۵ می شود.

### جدول ۲: پاسخ الگوریتم های موجود بر روی مجموعه داده Wine

تابع هزینه			الگوریتم های تکاملی
حداکثر هزینه	متوسط هزینه	حداقل هزینه	
۱۷۹۶۰۸۲.۷۵۹۵	۱۷۹۶۰۸۲.۷۵	۱۷۹۶۰۸۲.۷۵۹۵	Kmeans-GA
۱۷۹۶۴۲۳.۳۵۳۹	۱۷۹۶۳۱۴.۸۴	۱۷۹۶۲۰۶.۳۳۲۰	FCM
۱۸۱۷۳۰۶.۱۸۳۰	۱۸۰۷۱۵۳.۹۹	۱۷۹۷۰۰۱.۷۹۵۴	PSO
۱۸۶۴۴۲۳.۹۴۵۳	۱۸۳۱۹۹۴.۳۳	۱۷۹۹۵۶۴.۷۲۳	SA
۱۸۳۰۸۱۹.۲۰۹۷	۱۸۲۴۰۶۲.۷	۱۸۱۷۳۰۶.۱۸۳۰	TS
۱۸۱۱۳۲۴.۳۴۶۰	۱۸۱۰۶۳۸.۸۵	۱۸۰۹۹۵۳.۳۴۶۰	ACO
۱۸۱۸۷۴۶.۱۸۳۰	۱۸۱۱۹۸۰.۳۳	۱۸۰۵۲۱۴.۴۷۵۸	K-means

<sup>۱</sup>-EdgarAnderson

**۶.۳ مجموعه داده CMC**

این مجموعه زیر مجموعه‌ای از بررسی‌های به انجام آمده جهت پیشگیری از شیوع بارداری خانم‌ها در اندونزی در سال ۱۹۸۷ می‌باشد. نمونه‌های مورد مطالعه خانم‌هایی بودند که در زمان مصاحبه یا باردار بودند و یا این‌که هنوز این موضوع برای آنها مشخص نشده بود. مشکلی که در این زمینه وجود داشت این بود که محققان نمی‌دانستند از کدام روش پیشگیری از بارداری خانم‌ها بر اساس خصوصیات دموگرافی و اجتماعی - اقتصادی او باید استفاده نمایند. با این فرض که از روش‌های کوتاه مدت و بلند مدت نیز نباید استفاده کنند. پارامترهای این مجموعه به این صورت ( $N=1473$ ,  $d=10$ ,  $k=3$ ) معرفی گردیدند که سن، تحصیلات، تحصیلات همسر، تعداد فرزندان به دنیا آورده، مذهب، شغل، شغل همسر، شاخص‌های زندگی استاندارد، دسترسی به رسانه‌های جمعی، استفاده از روش‌های جلوگیری از بارداری جزء شاخصه‌های این مجموعه می‌باشد. در جدول ۳ بهترین مرکز خوشه به دست آمده از اجرای برنامه بر روی مجموعه داده CMC آورده شده است.

**جدول ۳: مراکز خوشه به دست آمده با اجرای الگوریتم پیشنهادی روی مجموعه داده CMC**

مراکز خوشه مجموعه داده CMC		
مرکز خوشه اول	مرکز خوشه دوم	مرکز خوشه سوم
۲۴.۰۳۳۴	۴۳.۹۹۱۵	۳۳.۵۳۸۷
۲.۹۸۳۱	۲.۸۵۰۷	۳.۰۸۹۸
۳.۴۶۲۷	۳.۳۵۲۱	۳.۵۱۱۶
۱.۷۶۴۲	۴.۸۲۳۴	۳.۶۳۰۲
۰.۹۲۸۲	۰.۸۱۴۴	۰.۷۹۰۱
۰.۷۹۴۷	۰.۷۶۹۴	۰.۶۹۷۱
۲.۳۱۸۴	۱.۸۸۳۲	۲.۰۹۹۱
۲.۹۱۲۷	۳.۳۴۱۷	۳.۲۶۸۱
۰.۰۴۵۴	۰.۱۱۲۳	۰.۰۶۷۳
۱.۹۸۴۹	۱.۶۲۴۰	۲.۰۷۳۰

**۶.۴ مجموعه داده Vowel**

این مجموعه داده‌ها شامل ۸۷۱ نمونه می‌باشند که برخلاف سه مجموعه‌ی قبل، مجموعه داده‌ها که صداهای آوادار تلوگو هندی می‌باشند، به ۶ خوشه تقسیم می‌گردند و ویژگی‌های مورد بررسی در این مجموعه ۳ شاخصه می‌باشد. به عبارت دیگر، این مجموعه داده نمونه‌هایی که دارای بعد کم، متوسط و زیاد می‌باشند؛ را پوشش می‌دهد. در واقع، این معیار شامل متکلم، آوا و ورودی می‌شود. محدوده‌ی تغییرات هر نطق مقادیر صحیح را به خود اختصاص می‌دهد که برای متکلم‌ها، بین ۰ تا ۸۹، برای آواها بین ۰ تا ۱۰ و برای مقادیر ورودی بین ۰ تا ۹ تخمین زده شده است؛ به عبارت دیگر، پارامترهای این مجموعه را می‌توان به صورت ( $N=871$ ,  $d=3$ ,  $k=6$ ) نشان داد.

## جدول ۴: مراکز خوشه به دست آمده با اجرای الگوریتم پیشنهادی روی مجموعه داده Vowel

مراکز خوشه مجموعه داده Vowel					
مرکز خوشه اول	مرکز خوشه دوم	مرکز خوشه سوم	مرکز خوشه چهارم	مرکز خوشه پنجم	مرکز خوشه ششم
۵۱۰.۱	۴۱۵.۴	۴۰۹.۹	۳۶۱.۲	۴۴۲.۶	۶۴۴.۴
۱۷۷۳	۱۰۲۷.۵	۲۰۹۴	۲۲۹۳.۹	۹۹۷.۲	۱۲۹۰.۷
۲۵۲۰.۸	۲۳۴۵.۹	۲۶۵۳.۵	۲۹۷۰.۲	۲۶۶۵.۴	۲۲۹۸.۱

## ۷. نتیجه گیری

امروزه کاربرد داده کاوی در اکثر علوم به طور چشم گیر مشاهده می گردد. واضح است در صورتی که بستر مناسبی جهت استفاده از این علم مهیا نگردد، از تکنولوژی روز و بهره گیری از پیشرفت های به دست آمده دور خواهیم ماند. خوشه بندی یکی از ابزار داده کاوی محسوب می گردد. از این رو، سهم به سزایی از تحقیقات اخیر معطوف به این روش می باشد. الگوریتم Kmeans یک روش یادگیری بدون نظارت است که در آن تعداد خوشه ها از قبل تعیین نگردیده و علاوه بر آن یک داده می تواند به صورت همزمان به چندین خوشه تعلق داشته باشد. متأسفانه این الگوریتم علی رغم پیاده سازی آسان، با مشکلاتی چون وابستگی به شرایط اولیه، همگرایی زودرس و گیر کردن در بهینه محلی روبه رو است.

در صورتی که مقدار اولیه مناسب برای الگوریتم Kmeans انتخاب گردد، امکان همگرایی به نقاط بهینه وجود دارد. لذا، با بهره گیری از الگوریتم ژنتیک به عنوان روش بهینه سازی نوین، این محدودیت مرتفع گردید. قابل توجه است که نسخه اصلی الگوریتم ژنتیک به تنهایی در رفع این مشکل کارساز نبود. به همین دلیل، از روش تولید عدد متضاد جهت انتخاب جمعیت اولیه و روش استراتژی خود تطبیق، برای بهبود عملکرد این الگوریتم استفاده شد. این استراتژی از دو قانون جهش استفاده می کند. قانون اول از همگرایی زودرس و قانون دوم از سکون و گیر کردن در بهینه محلی جلوگیری می کند. به این ترتیب، نتایج به دست آمده از ترکیب این دو الگوریتم، علاوه بر نوآوری، محدودیت ها را نیز پوشش داد و با توجه به مقایسه نتایج، مقاوم بودن و کارایی این روش تضمین گردید.

با توجه به شبیه سازی های انجام گرفته در اغلب موارد، روش ترکیبی جدید بهترین جواب را با حداکثر دقت نتیجه می دهد. در این روش ترکیبی، علاوه بر این که محدودیت وابستگی به شرایط اولیه تا حدود بسیار زیادی خنثی گردیده، مشکل همگرایی دائمی به پاسخ بهینه محلی نیز تا حد قابل قبولی از بین رفته است.

شبیه سازی بر روی مجموعه داده های متنوع اجرا گردیده است. پاسخ های نهایی به دست آمده گویای این مطلب می باشد که وابستگی به تعداد نمونه ها، تعداد خوشه ها و تعداد پارامترها وجود ندارد و الگوریتم ترکیبی عملکرد مناسبی دارد؛ بنابراین، این الگوریتم را می توان بر مجموعه داده ها مشابه اعمال نمود و نتیجه مناسب را به دست آورد. عدم وابستگی الگوریتم به پارامترهای موجود،  $f_{\max}$ ،  $N$ ،  $\gamma$ ،  $\alpha$ ، یکی دیگر از برتری های روش ارائه شده می باشد.

## ۸. پیشنهادها

با توجه به تلاش های انجام شده می توان، ترکیب دو الگوریتم فازی C-means و الگوریتم قورباغه را به عنوان کار آینده پیشنهاد نمود.

الگوریتم خوشه بندی C میانگین (Fuzzy C-Means): یکی از مهمترین و پرکاربردترین الگوریتم های خوشه بندی، الگوریتم C میانگین می باشد. در این الگوریتم نمونه ها به C خوشه تقسیم می شوند و تعداد C از قبل مشخص شده است. در نسخه فازی این الگوریتم نیز تعداد خوشه ها (C) از قبل مشخص شده است. الگوریتم (FCM) یکی از معروف ترین تکنیک های استفاده شده برای خوشه بندی است.

الگوریتم جهش ترکیبی قورباغه (SFLA): یک الگوریتم تکاملی و مبتنی بر جمعیت متاهیورستیک جدید است. این الگوریتم سریع است و قابلیت جستجوی سراسری بسیار خوبی دارد.

#### منابع

1. Aibinu, Abiodun Musa, et al. "A novel Clustering based Genetic Algorithm for route optimization." *Engineering Science and Technology, an International Journal* 19.4 (2016): 2022-2034.
2. Anchalia, Prajesh P., Anjan K. Koundinya, and N. K. Srinath. "MapReduce design of K-means clustering algorithm." *Information Science and Applications (ICISA), 2013 International Conference on. IEEE, 2013.*
3. Arora, Saurabh, and Inderveer Chana. "A survey of clustering techniques for big data analysis." *Confluence The Next Generation Information Technology Summit (Confluence), 2014 5th International Conference-. IEEE, 2014.*
4. Berman, Jules J. *Principles of big data: preparing, sharing, and analyzing complex information.* Newnes, 2013.
5. Bertino, Elisa, et al. "Challenges and Opportunities with Big Data." (2011).
6. Bhattacharya, Maumita, Rafiqul Islam, and Jemal Abawajy. "Evolutionary optimization: a big data perspective." *Journal of network and computer applications* 59 (2016): 416-426.
7. Bhih, Amhmed A., Princy Johnson, and Martin Randles. "EM Clustering Approach for Multi-Dimensional Analysis of Big Data Set."
8. Buza, Krisztian, Gábor I. Nagy, and Alexandros Nanopoulos. "Storage-optimizing clustering algorithms for high-dimensional tick data." *Expert Systems with Applications* 41.9 (2014): 4148-4157.
9. Chang, Dongxia et al. "A dynamic niching clustering algorithm based on individual-connectedness and its application to color image segmentation." *Pattern Recognition* 60 (2016): 334-347.
10. Chang, Fay, et al. "Bigtable: A distributed storage system for structured data." *ACM Transactions on Computer Systems (TOCS)* 26.2 (2008): 4.
11. Chen, CL Philip, and Chun-Yang Zhang. "Data-intensive applications, challenges, techniques and technologies: A survey on Big Data." *Information Sciences* 275 (2014): 314-347.
12. Chen, Yanpei, Sara Alspaugh, and Randy Katz. "Interactive analytical processing in big data systems: A cross-industry study of mapreduce workloads." *Proceedings of the VLDB Endowment* 5.12 (2012): 1802-1813.
13. Cox, Michael, and David Ellsworth. "Managing big data for scientific visualization." *ACM Siggraph. Vol. 97.* 1997.
14. D. Whitley, A genetic algorithm tutorial, *Statistics and computing*, 4 (1994) 65-85.
15. J. Kennedy, R. Eberhart, *Particle swarm optimization*, 1 (1995)
16. Jin, Xiaolong, et al. "Significance and challenges of big data research." *Big Data Research* 2.2 (2015): 59-64.
17. Leal, Emily J. Hernández, Néstor D. Duque Méndez, and Julián Moreno Cadavid. "Big Data: an exploration of research, technologies and application cases." *TecnoLógicas* 20.39 (2017).

18. R.J. Kuo, C.H. Mei, F.E. Zulvia, C.Y. Tsai, An application of a metaheuristic algorithm-based clustering ensemble method to APP customer segmentation, *Neurocomputing*, 205 (2016) 116
19. U. Maulik, S. Bandyopadhyay, Genetic algorithm-based clustering technique, *Pattern Recognition*, 33 (2000) 1455-1465.
20. Y. Ding, X. Fu, Kernel-based fuzzy c-means clustering algorithm based on genetic algorithm, *Neurocomputing*, 188 (2016) 233-238.

# Providing a Hybrid Approach of Genetic algorithms for Use in Data Clustering

Meysam Rahnamay Fallah<sup>1</sup>, Marzieh Faridi Masouleh<sup>2</sup> \*, Mohammad Reza Askaripour<sup>3</sup>

<sup>1, 2, 3</sup> Islamic Azad University, Electronic Unit, Computer Department, Tehran, Iran  
\* corresponding author

---

## Abstract

Big Data is usually referred to as a set of data that exceeds the extent which can be obtained, managed and processed using standard software within a reasonable time. The concept of size in big data is constantly changing and becoming gradually bigger. Hence, with the increasing growth of the data and the need to exploit and analyze these data, it is particularly important to apply the Big Data infrastructures. We provide a summary of a comprehensive review of big data issues, including the opportunities and challenges of big data and the current techniques and technologies. Evolutionary algorithms (Eas) and data mining are used for optimizing the performance and analyzing the big data. EAs are known as better discoverers in search space than the traditional techniques. They include definitive methods and use basic mechanisms and operations to solve the problem and, provide a suitable solution to the problem through a series of repetitions. We have used a combination of the k-mean algorithm and the genetic algorithm in order to arrive at a desirable result, and the genetic algorithm is one of the most popular and commonly used algorithms among the evolutionary algorithms. This algorithm is a global minimization method with many uses for solving optimization problems.

**Keywords:** big data, evolutionary algorithms, genetic algorithm, data mining, K-mean.

---